

С.И. Жаданов, Л.П. Осипова, Л.Э. Табиханова, Т.Г. Шур
**Генетическое разнообразие коренных популяций южной Сибири:
филогенетические свидетельства древних контактов (тез. докл.)**
г. Новосибирск, г. Пенсильвания

Реконструкция процесса колонизации Сибири в период палеолита представляет исключительный интерес в понимании предыстории Старого и Нового Света. Археологические находки последних десятилетий свидетельствуют, что первые поселения человека современного вида Юга Сибири могут быть датированы по крайней мере 40 000–45 000 гг. до н.э. Однако характер и время экспансии предковых групп, равно как их генетическое наследие в коренных популяциях, населяющих современную Евразию, служат предметом научных дискуссий генетиков и популяционистов.

С целью оценить существующее генетическое разнообразие популяций, населяющих Южную Сибирь, а также определить их взаимные филогеографические контакты в пространственно-генетическом континууме были изучены полиморфные локусы митохондриальной ДНК (мтДНК) южных алтайцев (Алтай–Кизи) Республики Алтай. Исследованная выборка включила 275 неродственных по материнской линии индивидуумов и основана на детальной генетико-демографической информации, явившейся результатом многолетних научных исследований Института цитологии и генетики СО РАН в регионе.

Около 75 % материнских линий современных алтай-кизи принадлежат восточно-евразийскому филогенетическому кластеру и распределяются в пределах макрогаплогруппы М (~61 %; варианты CZ, D, G, M8, M9) или специфичных сибирским популяциям ветвях макрогаплогруппы N (~14 %; A, B, F). Как и большинство аборигенных популяций Северной Евразии, южные алтайцы характеризуются высокой частотой гаплогрупп C и D, что, вероятно, указывает на филогенетически более древнюю историю последних и раннее распространение их среди предковых популяций Северной Евразии и Американского континента. В то же время гаплогруппы B и F демонстрируют иное филогеографическое распределение, с преобладанием в южных популяциях и практическим отсутствием в аборигенных группах Северной Сибири.

Особый интерес вызывает клинальное распределение частоты западно-евразийских специфичных гаплотипов мтДНК в коренных популяциях Сибири, с их максимальной представленностью у алтайцев кизи (>25 %) (варианты UK, IX, TJ, H), что может являться дополнительным генетичес-

ким свидетельством древней европеоидной компоненты в коренных популяциях Южной Сибири. Характерной находкой служит распределение гаплотипов филогенетического ствола UK, предположительно демонстрирующее родство алтайских популяций с финно-угорскими группами Волго-Уральского бассейна и Севера Западной Сибири. Особый интерес вызывает обнаружение гаплогруппы X у алтай-кижи, отсутствующей в популяциях Сибири, но ранее выявленной в коренных группах американских индейцев. Вместе с тем гаплотипспецифический анализ свидетельствует об их неродственном характере, предполагая отличие во времени экспансии мтДНК гаплогруппы X в Новом Свете, и не отвечает на вопрос об источниках разнообразия последней у американских индейцев.

Таким образом, результаты изучения большой выборки мтДНК в популяции южных алтайцев свидетельствуют в пользу того, что Горный Алтай мог играть роль географических ворот для первоначального заселения человеком Сибири и Америк, а также последующих позднеолитических контактов сменяющихся цивилизаций культурно-географического ландшафта Сибирской степи.